

머신러닝 & 바이오인포매틱스 연구실

MACHINE LEARNING & BIOINFORMATICS LAB

Education & Experience

Ph.D., Pennsylvania State University B.S., Seoul National University Post-doctoral Scholar, Stanford University



┖실 소개



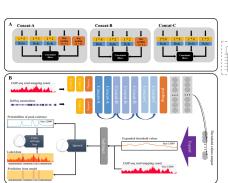
송 길 태 교수 E-mail gsong@pusan.ac.kr

대표 연구 성과

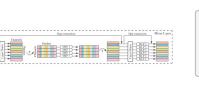
- Lim et al., "LEQNet: Light Earthquake Deep Neural Network for Earthquake Detection and Phase Picking". Frontiers in Earth Science. 2022.
- Lee and Song, "FastqCLS: a FASTQ Compressor for Long-read Sequencing via read reordering using a novel scoring model". Bioinformatics 2022.
- Lee et al.. "Predicting aptamer sequences that interact with target proteins using an aptamer-protein interaction classifier and a Monte Carlo tree search approach". PLoS ONE 2021.
- Oh et al., "CNN-Peaks: ChIP-Seg peak detection pipeline using convolutional that imitate human visual inspection". Scientific Reports 2020.
- Song et al., "Integrative Meta-Assembly Pipeline (IMAP): Chromosome-level genome assembler combining multiple de novo assemblies". PLoS ONE 2019.
- Kim et al., "Real-time occupancy prediction in a large exhibition hall using deep learning approach". Energy and Building 2019.
- Zhou et al. "Comprehensive, Integrated, and Phased Whole-Genome Analysis of the Primary ENCODE Cell Line K562", Genome Research 2019.

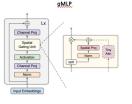
수요 연구 내용

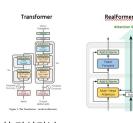
머신러닝 기법을 이용한 생명의료, 제조 분야 난제 해결은 스마트 제조 공정 혁신, 신약 개발 기간 단축, 환자맞춤형 정밀의료 실현 등의 중요한 성과를 위한 열쇠가 될 수 있다. 이를 위해 본 연구실에서는 병원 EHR (Electronic Health Records), 제조 공정 데이터와 같은 tabular 데이터 뿐만 아니라, DNA 서열과 같은 시계열 데이터 및 화합물 결합과 같은 graph 데이터 등에 특화된 최신 머신러닝 기법을 설계한다. 스탠포드대학교 등 세계적인 수준의 글로벌 기관과 협업 연구를 통해 주요 산업에 응용되는 혁신적 성과를 이루어 내고 있다.



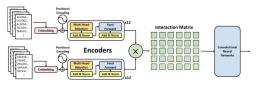
생명의료 특이 신호 예측을 위한 딥러닝 모델 설계 (Oh et al., Scientific Reports, 2020)







자동차 부품 설계 최적화를 위한 Tabular 데이터 특화 머신러닝 (Kim et al., under review, 2023)



표적 단백질 결합 예측 및 신약 후보 물질 추천 시스템 (Lee et al., PLoS ONE, 2021)

주요협력기관











